

DDBJ塩基配列登録システム

全体の流れ

<http://ddbj.nig.ac.jp/submission/> にアクセス
"Create new submission" をクリックしてスタート



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Email: DDBJからの問い合わせに対する窓口となる方の電子メールアドレスを入力してください。 Please enter an e-mail address of contact person, who can make contact with DDBJ.
 Disclose on DDBJ flat file.

Name: full name で入力してください e.g. Hanako Mishima Please enter your full name e.g. Kim Cheol Soo, Wang Yi Qin, Wang Yi-Qin

Country: Countryで国名を選び、Fax、電話番号を入力してください Please select your country, and then, enter your fax/phone number Country code is automatically selected.

Fax: Countryで国名を選び、Fax、電話番号を入力してください Please select your country, and then, enter your fax/phone number Country code is automatically selected.
 Disclose on DDBJ flat file.

Faxが利用できない場合はチェックを加えてください Please check it, if you do not have any fax machine.

Phone: Ext. (内線) ()
 Disclose on DDBJ flat file.

Institution: e.g. National Institute of Genetics

Department: e.g. Genome Informatics laboratory

URL: e.g. http://charles.genes.nig.ac.jp/

Zip code: e.g. 411-8540

State (Prefecture): e.g. Shizuoka

City: e.g. Mishima

Address (Street): e.g. 1111 Yata

An email will be sent to your email address when you click 'Next'.

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 17, 2012

1. Contact person を入力
メール受信、メール内リンクを開く



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Hold your data until specific date. (Six months from today is highlighted when you click calendar icon.)
(カレンダーをクリックすると6か月後の日付がハイライトされます)
Or
 Release immediately

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 17, 2012

2. Hold date を指定





Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > **3. Submitter** > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

登録者 (Submitter(s))を入力します

登録者とは

contact personに加え、研究責任者や論文著者から加えるなど2名以上をsubmitterに含めることを推奨します
We recommend you to add more submitters, such as principal investigator, either one(s) of reference authors, and so on, in addition to the contact person.

下記の例に示した書式で入力してください Please enter submitter(s) in accordance with the form of the examples below.
Examples: Mishima,H.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Submitter (contact person)

Email

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 17, 2012

3. Submitter を入力



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > **4. Reference** > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)

Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or if you have not decided whether you would submit the paper or not.

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status Unpublished In press Published

Year

Reference Title

Authors

<input type="text" value="Mishima,H."/>	<input type="checkbox"/>
<input type="text" value="Shizuoka,T."/>	<input checked="" type="checkbox"/>
<input type="text" value="Hamamatsu,S."/>	<input checked="" type="checkbox"/>

[Add authors](#)

Other Reference

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

4. Reference を入力





DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > **5. Sequence** > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Did you determine the nucleotide sequence by yourself?

YES

No, whole or a part of nucleotide sequence(s) were constructed by using the entries that are released from DDBJ/EMBL-Bank/GenBank. (= Third Party Annotation)

Sequences

Please paste nucleotide sequence to the text area below. You can paste multiple sequences concatenated in FASTA format.

```
>CLN01
xtgcctacacatgcaagtcgaagaggtgatttaagctttaggtgaatgatgg
caaacgggtgatbaacgcttggcaacotccccaaggttgggcaacagtcocaaagg
mctaaaccagatgttgcagatccopagggaggttattaaagtgcctactt
xtaagctatgcttggatgggtctgctgctgattagatagttggtggatcaacggct
accagggcaatctongtagccgcttgaagagatgaagggcaatcttggaaatgaaca
cgtccgaactctcaaggaagagatgggaactctccagatggcaaatggacgac
zgagcaacggccgctgagtaaaagaggtttaggctcaaaactcttcaagggcaacg
aatctgcaaatgcaatagcttctgcaatgagctaccgctgagagagcagcagct
aacctgtgcaagcagcaggttaactgtagtagagagcttccagatcttggg
ogtaaaaggagcagcagggagcaagtcagctttaaagtccggctcaaacocct
```

Or upload sequences from here

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 31, 2012

5. 塩基配列を入力

TPAの場合にはAssembly Informationを入力



DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > **6. Template** > 7. Annotation > 8. Finish

Submission ID: 5045715055d698dd9f001178 Entry counts: 2

Please select one that matches to the annotation of the sequence:

We have templates for some typical submissions as shown below.
You can proceed with them if you wish.

Sequences from isolated bacteria or archaea

- 16S rRNA sequence
- single protein-coding sequence (CDS)
- region cannot be described by any other feature key, use of misc_feature

Environmental sample (bacteria)

- 16S rRNA sequence
- single protein-coding sequence (CDS)
- region cannot be described by any other feature key, use of misc_feature

Sequences from eukaryotic species

- single protein-coding sequence (CDS), not an organelle
- single protein-coding sequence (CDS), organelle
- mitochondrial D-loop

Sequences from viruses

- single protein-coding sequence (CDS), Influenza A virus
- single protein-coding sequence (CDS), other viruses

other

- >>> No, I cannot find my kind of annotation in the list above.

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 31, 2012

6. アノテーション入力用テンプレートを選択
アノテーションをuploadするか、直接入力するかを選択



1. Contact person → 2. Hold date → 3. Submitter → 4. Reference → 5. Sequence → 6. Template → 7. Annotation → 8. Finish [HELP]

Submission ID: SDB32ae4556986a15001559 Entry count: 10

source	seq. number	length	organism	mol. type	strains	location	product	other information
(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	(ID#1 Column)	
ENT01	src	1472	genomic DNA			<1..1472	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	1313	genomic DNA			<1..1313	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	565	genomic DNA			<1..565	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	565	genomic DNA			<1..565	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	1466	genomic DNA			<1..1466	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	1477	genomic DNA			<1..1477	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	565	genomic DNA			<1..565	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	1463	genomic DNA			<1..1463	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	565	genomic DNA			<1..565	16S ribosomal RNA	
ENT01	src	565	genomic DNA			<1..565	16S ribosomal RNA	

Confirm Next

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: September 12, 2012

1. Contact person → 2. Hold date → 3. Submitter → 4. Reference → 5. Sequence → 6. Template → 7. Annotation → 8. Finish [HELP]

Submission ID: SDB32ae4556986a15000018 Entry count: 3

source: Add feature

length=658
genetic code=
organism=
mol. type =

location=1..658
product=
feature_id=

mol. name=
MOLDB=1..658

source: Add feature

length=632
genetic code=
organism=
mol. type =

location=1..632
product=
feature_id=

source: Add feature

length=632
genetic code=
organism=
mol. type =

location=1..632
product=
feature_id=

Confirm Next

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: September 12, 2012

7. アノテーションをuploadまたは画面上で入力

Level Message

Line: 24 error: invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier; it must be modified following [d4-d666] N15 [d4-d666] W1E).

Line: 29 error: invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier; it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/wh/e.html#country].

1: COMMONSUBMITTER contact takehide Kosuge
2: ab_name Kosuge.T
3: ab_name Kosuge.T
4: email kosuge@nig.ac.jp
5: phone 81-55-981-1234
6: fax 81-55-981-8838
7: institute National Institute of Genetics
8: department DDBJ center, DDBJ
9: country Japan
10: state Shizuoka
11: city Mishima
12: street 1111 Yata
13: zip 305-0856
14: REFERENCE title New submission tool
15: ab_name Kosuge.T
16: ab_name Mishima.L
17: status Unpublished
18: year 2012
19: DATE hold_date 20130314
20: ENT01 source 1..1472 organism Bacillus.sp. HM1
21: mol_type genomic DNA
22: strain HM1
23: country Japan: Shizuoka
24: lat_lon 35.13 N 138.91 R
25: rRNA <1..1472 product 16S ribosomal RNA
26: ENT02 source 1..1313 organism Bacillus.sp. HM2
27: mol_type genomic DNA
28: strain HM2

1. Contact person → 2. Hold date → 3. Submitter → 4. Reference → 5. Sequence → 6. Template → 7. Annotation → 8. Finish [HELP]

Submit to DDBJ

Contact person

Email: kosuge@nig.ac.jp
Name: Takehide Kosuge
Institute: DDBJ
Phone: 055-981-1234
Fax: 055-981-8838
Postal address: 305-0856 Japan
Institution: National Institute of Genetics
Department: DDBJ center, DDBJ
Zip code: 305-0856
State (Province): Shizuoka
Country: Japan
City: Mishima
Address (Street): 1111 Yata
Publication: 2013-03-14
Institution: DDBJ
Submitters
Name: Kosuge.T
Email: kosuge@nig.ac.jp
Name: Kosuge.T
Email: kosuge@nig.ac.jp
References
Status: Unpublished
Year: 2012
Reference Title: New submission tool
Name: Kosuge.T
Name: Mishima.L
Submission Information

Submit to DDBJ

エラーがなくなるまでアノテーションチェック、修正を繰り返す

8. 完了 登録完了のメール受信

1. Contact person → 2. Hold date → 3. Submitter → 4. Reference → 5. Sequence → 6. Template → 7. Annotation → 8. Finish [HELP]

Submission completed!

The nucleotide data are now transferred to DDBJ.

You will soon have a confirmation email from sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp.

If you do not receive any response from DDBJ in 5 working days, please send an email to sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of this submission.

You can download the submission files from the links below.

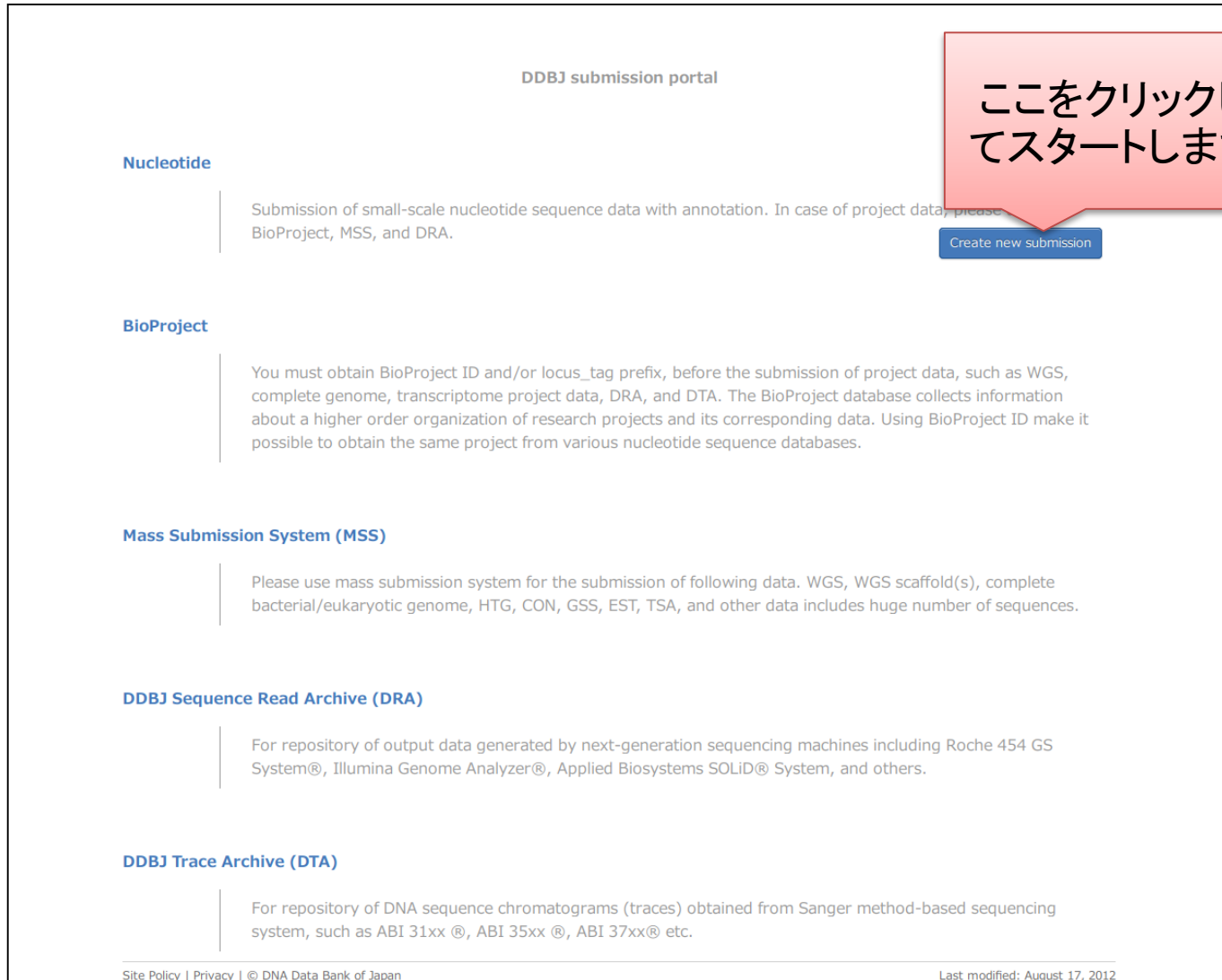
- Download fasta File
- Download Ann File
- Download Transaction File

Thank you.
DDBJ
sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: September 12, 2012

スタート画面

<http://ddbj.nig.ac.jp/submission/> にアクセス



DDBJ submission portal

Nucleotide

Submission of small-scale nucleotide sequence data with annotation. In case of project data, please use BioProject, MSS, and DRA.

BioProject

You must obtain BioProject ID and/or locus_tag prefix, before the submission of project data, such as WGS, complete genome, transcriptome project data, DRA, and DTA. The BioProject database collects information about a higher order organization of research projects and its corresponding data. Using BioProject ID make it possible to obtain the same project from various nucleotide sequence databases.

Mass Submission System (MSS)

Please use mass submission system for the submission of following data. WGS, WGS scaffold(s), complete bacterial/eukaryotic genome, HTG, CON, GSS, EST, TSA, and other data includes huge number of sequences.

DDBJ Sequence Read Archive (DRA)

For repository of output data generated by next-generation sequencing machines including Roche 454 GS System®, Illumina Genome Analyzer®, Applied Biosystems SOLiD® System, and others.

DDBJ Trace Archive (DTA)

For repository of DNA sequence chromatograms (traces) obtained from Sanger method-based sequencing system, such as ABI 31xx®, ABI 35xx®, ABI 37xx® etc.

[Create new submission](#)

ここをクリックしてスタートします

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: August 17, 2012

1. Contact person

コンタクトパーソンは連絡の窓口となる方で登録者の中の1人を指定します

The image shows a registration form for a contact person. The form is titled '1. Contact person' and includes a progress indicator '1. Contact person > 2. Hold' and '8. Finish'. The form fields are as follows:

- Email:** mishima@nig.ac.jp
- Name:** Hanako Mishima
- Country:** Japan
- Fax:** 81 - 55-981-649
- Phone:** 81 - 55-981-6853, Ext.(内線) ()
- Institution:** National Institute of Genetics
- Department:** DNA Data Bank of Japan
- URL:** http://www.ddbj.nig.ac.jp
- Zip code:** 411-8540
- State (Prefecture):** Shizuoka
- City:** Mishima
- Address (Street):** 1111 Yata

Annotations in red boxes provide instructions for each field:

- Email:** DDBJからの問い合わせに対する窓口となる方の電子メールアドレスを入力してください
- Name:** コンタクトパーソンの氏名を full name で入力します
- Country:** 国名をリストから選択します 同時に、fax、phoneの国番号が自動取得されます
- Fax:** FAX番号を入力します
- Phone:** FAXを利用できない場合にはチェックを加えてください
- Phone:** 電話番号を入力します(連絡に内線番号が必要な場合は内線番号も入力してください)
- Institution:** 所属機関名を入力します
- Department:** 所属部署名を入力します(任意)
- URL:** URLを入力します(任意)
- Zip code:** 郵便番号を入力します
- City:** 都道府県名を入力します(任意)
- Address (Street):** 市町村名を入力します

Additional annotations:

- Bottom left:** 市町村名以降の住所を入力します
- Bottom right:** 入力が済んだらNextをクリックします。入力したメールアドレス宛てにメールが自動送信されます。

Other text on the page includes: 'An email will be sent to your email address when you click 'Next''. At the bottom, there is a 'Next' button and a footer: 'Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan'.

登録開始メールについて

コンタクトパーソンメールアドレス宛に登録開始用のリンクを含むメールが自動的に送信されます

Subject: DDBJ: Starting the sub
To: mishima@nig.ac.jp

National Institute of Genetics
Dear Hanako Mishima

Thank you for using DDBJ.
This email contains a link for processing of your nucleotide data submission.

Please click the link below, then, you can continue your registration.
http://ddbj.nig.ac.jp/submission/submissions/5036c6ee55d698c0ad000324/mail_confirmation?token=47444d24e2106dd81a323f6ed559b715ec8cbbab

If you are not related person of the submission, please discard the email .

Note : You must activate your new submission within 1 hour. If you failed to activate, please try again from the "Contact person" page.

Note : You can not reply to this mail.

If you encounter trouble while using this submission system, please send an email to sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of your submission.

Thank you,
DNA Data Bank of Japan

メール本文内でリンクがかかっている場合はここをクリックすればブラウザが開きます。
リンクがかかっていない場合は、ここをコピーしてブラウザのURL欄に張り付け、リターンキーを押します。

2. Hold date

公開日(Hold date)をカレンダーから選択するか、即公開を選択します。

プログレスバー

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > **2. Hold date** > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Hold your data until specific date. (カレンダーをクリックすると6か月後)

Or

Release immediately

または、即公開希望の場合はここにチェックを加えてください

Calendar icon: カレンダーアイコンをクリックし、表示されるカレンダーから公開希望日を指定してください

Next

入力が済んだらNextをクリックします

February 2013

Mo	Tu	We	Th	Fr	Sa	Su
					1	2
3	4	5	6	7	8	9
10	11	12	13	14	15	16
17	18	19	20	21	22	23
24	25	26	27	28		

Done

Site Policy | Privacy

id: August 17, 2012

- カレンダーでは、6か月後の日付が自動的にハイライトされています
- 年末・年始はDDBJが公開作業を停止するため選択できません
- 選択できる日付は最大3年後までです

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

カレンダーの操作説明

前月を表示

年(year)を選択するにはここをクリックしてリストから年(year)を選びます

次月を表示

February 2013

Mo Tu We Su

3

4 5 6 7 8 9 10

11 12 13 14 15 16 17

18 19 20 21 22 23 24

25 26 27 28

Done

クリックするとカレンダーが消えます

Detailed description: The image shows a mobile-style calendar for February 2013. At the top, there are two circular navigation icons. A dropdown menu is open over the year '2013', showing a list of years from 2012 to 2015, with 2013 highlighted. A 'Done' button is located at the bottom right. Four red callout boxes provide instructions: one on the left navigation icon, one on the year dropdown, one on the right navigation icon, and one on the 'Done' button.

3.Submitter

Submitter (登録者) 名を入力します

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > **3. Submitter** > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

登録者 (Submitter(s))を入力します

登録者とは

contact personに加え、研究責任者や論文著者から加えるなど2名以上をs
We recommend you to add more submitters, such as principal investi
in additio

下記の例は
Examples
Mishima
Kim,C.S
Wang,Y.Q.

Contact personの氏名が自動変換され初期値として入力されます。修正が必要な場合は適宜変更してください。

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

複数の登録者を記載するようお願いいたします。

Submitter (contact person)

Email

Add

Next

Site P

Last modified: August 17, 2012

Addで登録者を追加できます

DBJでは複数の登録者の指定をお願いしております

入力した順序通りにフラットファイル上に表示されます

入力が済んだらNextをクリックします




このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後もブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

複数の登録者を指定することに関するお願い

登録データの修正・更新を行える権利は登録者のみが有しております。登録者が1名の場合、将来、修正が必要になった際に私どもから登録者本人への連絡がとれない場面に遭遇することもございます。1名の登録者のみでの登録も可能ですが、複数の登録者を記載いただけるよう推奨しております。たとえば、実作者と研究指導者(責任者)、論文著者から登録者に加えるなど、2名以上の登録者記載に関しましてご協力をお願いいたします。

登録者を追加するには

まず、"Add"をクリックします

Submitter (contact person)	<input type="text" value="Mishima,H."/>	
Email	<input type="text" value="misima@nig.ac.jp"/>	
Submitter	<input type="text" value="Shizuoka,T."/>	
(Email, Optional)	<input type="text" value="shizouka@nig.ac.jp"/>	

Addをクリックすると現れる入力欄に登録者とメールアドレスを入力してください

登録者の順番を変えるには 登録者を削除するには

The screenshot shows a list of three registrants with their details and an 'Add' button at the bottom left. Annotations on the right side explain the icons used for moving and deleting entries.

Submitter (contact person)	<input type="text" value="Mishima, H."/>		順番入れ替え 下に移動
Email	<input type="text" value="tkosuge@nig.ac.jp"/>		
Submitter	<input type="text" value="Shizuoka, T."/>		
(Email, Optional)	<input type="text" value="shizouka@nig.ac.jp"/>		削除
Submitter	<input type="text" value="Hamamatsu, N."/>		
(Email, Optional)	<input type="text" value="hamamatsu@nig.ac.jp"/>		順番入れ替え 上に移動
Add	<input type="text"/>		

4. Reference

Reference情報を入力します

配列に関する主論文(Primary citation)を第一referenceに入力してください

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > **4. Reference** > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)

Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or If you have not decided whether you would submit the paper or not.

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status	<input checked="" type="radio"/> Unpublished <input type="radio"/> In press <input type="radio"/> Published
Year	<input type="text" value="2012"/>
Reference Title	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver
Authors	<input type="text" value="Mishima, H."/> X <input type="text" value="Shizuoka, T."/> X <input type="text" value="Hamamatsu, S."/> X Add authors

Other Reference

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

デフォルトで Unpublished が選択されています
論文準備中の場合、論文投稿後、論文を作成する予定がない場合は Unpublished を選択します

論文が受理されているときは In press、
論文がすでに公開されているなら Published を選びます

Unpublished、In press、Published の選択に応じて入力欄が切り替わります

Referenceを追加する場合にクリックします

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後もブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Unpublished の場合

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > **4. Reference** > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)

Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or if you have not decided whether you would submit the paper or not

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status	<input checked="" type="radio"/> Unpublished <input type="radio"/> In press <input type="radio"/> Published
Year	<input type="text" value="2012"/>
Reference Title	<input type="text" value="Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver"/>
Authors	<input type="text" value="Mishima,H."/> <input type="text" value="Shizuoka,T."/> <input type="text" value="Hamamatsu,S."/> Add authors

Other Reference

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

Yearは入力の必要がありません。自動で今年の年が入力済みになります。

論文タイトルを入力します。
論文を準備されない場合も、塩基配列情報に応じて適切なタイトルを記載してください。

論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください。
Add authorsで入力欄を追加できます。
Xをクリックすると入力欄を消せます。

入力が済んだらNextをクリックします

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

In press 選択時

Yearを入力します

Status	<input type="radio"/> Unpublished <input checked="" type="radio"/> In press <input type="radio"/> Published
Year	<input type="text" value="2012"/>
Journal Name	<input type="text" value="J Cancer"/>
Reference Title	<input type="text" value="Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver"/>
Authors	<input type="text" value="Mishima,H."/> X
	<input type="text" value="Shizuoka,T."/> X
	<input type="text" value="Hamamatsu,S."/>
	Add authors

Other Reference

In press選択時、ジャーナルの略称(ISO abbreviation)を入力してください。この入力欄にはジャーナル名の入力補助機能がついています

論文タイトルを入力します

論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください
Add authorsで入力欄を追加できます
Xをクリックすると入力欄を消せます

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Published 選択時

Status	<input type="radio"/> Unpublished <input type="radio"/> In press <input checked="" type="radio"/> Published
Year	2012
Journal Name	J Cancer <small>(Journal of Cancer)</small>
Reference Title	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver
Volume	65
Page (start - end)	3350 - 3357
DOI (Digital Object Identifier, Optional)	10.1234/Jcan.1234567
Authors	Mishima, H. X Shizuoka, T. X Hamamatsu, S. X Add authors

Other Reference

Yearを入力します

In press選択時、ジャーナルの略称(ISO abbreviation)を入力してください。ジャーナル名の入力補完機能がついています

論文タイトルを入力します

Volume、Page、を入力します
DOI が分かる場合は入力してください

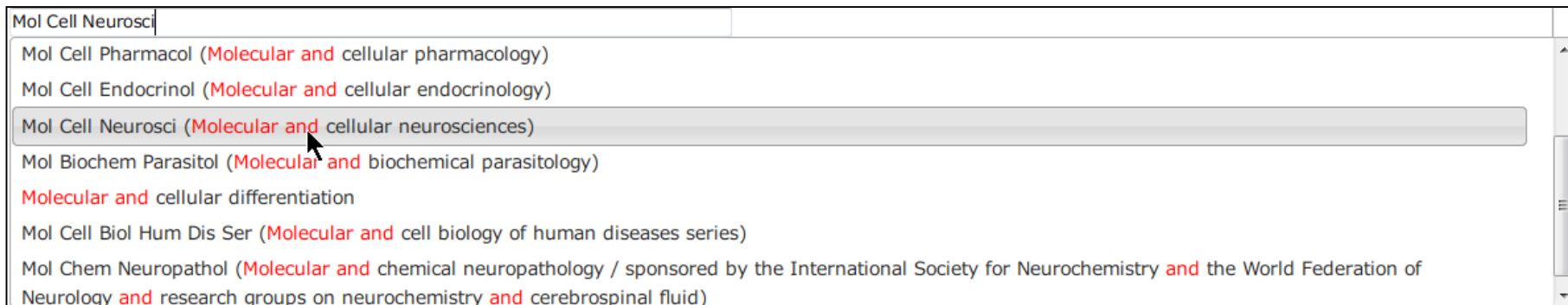
論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください
Add authorsで入力欄を追加できます
Xをクリックすると入力欄を消せます

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Journal入力欄におけるJournal名の入力補助機能

ジャーナル名は ISO Abbreviation を入力してください。

Journal Name欄にfull nameを入力いただく途中でジャーナル名の候補リストが表示されます。リストから選択することでISO Abbreviationに自動変換されます。



The screenshot shows a text input field containing "Mol Cell Neurosci". Below the field, a dropdown menu is open, displaying a list of journal names with their full names in parentheses. The first item, "Mol Cell Neurosci (Molecular and cellular neurosciences)", is highlighted in grey and has a mouse cursor pointing to it. Other items include "Mol Cell Pharmacol (Molecular and cellular pharmacology)", "Mol Cell Endocrinol (Molecular and cellular endocrinology)", "Mol Biochem Parasitol (Molecular and biochemical parasitology)", "Molecular and cellular differentiation", "Mol Cell Biol Hum Dis Ser (Molecular and cell biology of human diseases series)", and "Mol Chem Neuropathol (Molecular and chemical neuropathology / sponsored by the International Society for Neurochemistry and the World Federation of Neurology and research groups on neurochemistry and cerebrospinal fluid)".

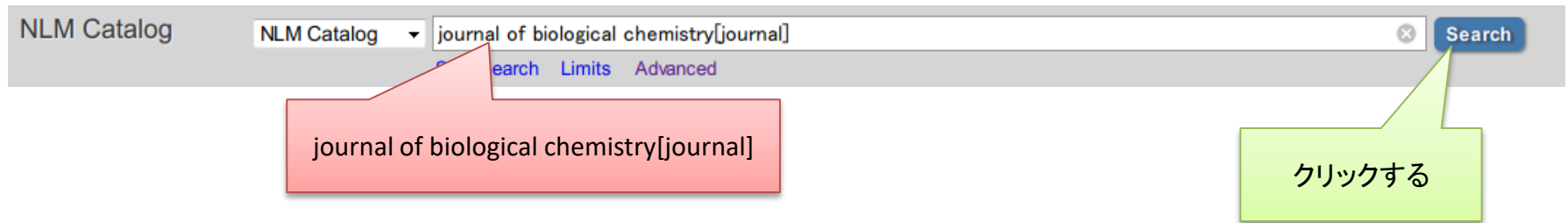
入力補助辞書は、[NLM Catalog](#) を使用しております。

ISO Abbreviation については、[NLM Catalog](#) で検索することができます。

例: Journal of biological chemistry の検索

[NLM Catalog](#)のページにアクセスします

検索したいジャーナル名[journal] を検索窓に入力し、Searchをクリックします



Results: 2

[The journal of biological chemistry](#)

1. American Society for Biochemistry and Molecular Biology.
ISSN: 1067-8816 (Electronic) ; 0021-9258 (Linking)
San Francisco, CA : Lightbinders, Inc., c1992-
NLM ID: 9887312 [Serial]

[The Journal of biological chemistry](#)

2. American Society of Biological Chemists.; American Society for Biochemistry and Molecular Biology.; Rockefeller Institute for Medical Research.
NLM Title Abbreviation: J Biol Chem
ISSN: 0021-9258 (Print) ; 1083-351X (Electronic) ; 0021-9258 (Linking)
Baltimore, MD : American Society for Biochemistry and Molecular Biology
Currently indexed for MEDLINE
NLM ID: 2985121R [Serial]

候補が表示されます
検索結果から、該当する方を
クリックします

The Journal of biological chemistry

Author(s): American Society of Biological Chemists.
American Society of Biological Chemists., Proceedings.
Rockefeller Institute for Medical Research.

NLM Title Abbreviation: J Biol Chem

ISO Abbreviation: J. Biol. Chem.

Title(s): The Journal of biological chemistry

Publication Start Year: 1905

Frequency: Weekly, 1994-

Country of Publication: United States

Publisher: Baltimore [etc.]

Latest Publisher: Baltimore, MD : American Society for Biochemistry and Molecular Biology

Description: v. ill., ports.

Language: English

ISSN: 0021-9258 (Print)
1083-351X (Electronic)
0021-9258 (Linking)

ISO Abbreviation はこれです

5.Sequence

塩基配列を入力します

TPAの場合にはアセンブリ情報も入力します

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » **5. Sequence** » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish

Did you determine the nucleotide sequence by yourself?

YES

No, whole or a part of nucleotide sequence(s) were constructed by using

Sequences

Please paste nucleotide sequence to the text area below. You can paste multiple sequences concatenated in FASTA format.

```
>CLN01
gtgccttacacatgcaagtcgaacgaggtgatttaagcttgcttaggtgaatcgattg
caaacgggtgagtaacgcgtagacaacctgocgcaaagatggggacaacagtcgcaagg
nctaataccgaatgtgtcagattcccgcagtgagactgattaaagatggcctctactt
gtaagctatcgctttgcgatgggtctgcgtctgattagctagtggggggtaacggcct
accaagcgcacgatcagtagccggtctgagaggatgaacggccacattggaactgagaca
cggtcagactcctacgggagggcagcagtggggaatcttcgcaatgggcgaaagctgac
ggagcaacgcccgctgagtaagaagggtttcggctcgtaaaagctctgttgacggggacg
aatgtgcgaaatgcgaatagcttctcgcaatgacggtaccgctcgaggaagccacggct
aactacgtgccagcagcccggttaatcagtaggtggcgagcgtgtccggaattatggg
cgtaaaaggagcgcagggcgggaaggcaagtcagctttaaagtgcggggctcaaccogt
```

Or upload sequences from here

参照...

Next

Last modified: August 31, 2012

デフォルトで"Yes"が選択されています
TPAでない場合、ここは YES のままにします

塩基配列をここに
ペーストします。

アノテーション入力後、このページにおいて塩基
配列を変更した場合、7.Annotationで入力した内
容は失われます。

または、塩基配列
ファイルをここから
uploadします。

入力が済んだらNext
をクリックします

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページ
のURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用
いて、再開することが可能です。

入力可能な塩基配列について

Multi-FASTA形式の塩基配列をペースト(またはアップロード)可能です。

Entry name (エントリー名)は、24文字までの半角・英数記号(ただしスペース、"、?、¥、バックslashを含まない)を用いて設定してください。

Entry name にはそれぞれ異なる名称を付けてください。
同じ Entry name が使用されている場合はエラーとなるため Entry name の修正が必要になります。

各エントリーの区切りに // を含んでいてもいなくても、問題ありません(例1、例2)。

本システムでは // 無しの塩基配列を入力した場合、各エントリーの区切りとして // が自動的に挿入されます。

塩基配列は、a, c, g, t, m, r, w, s, y, k, v, h, d, b, or n のいずれかで構成される必要があります。

塩基配列中のスペース、数字は自動的に削除されます。

塩基配列中の大文字は自動的に小文字に変換されます

```
例 1
>CLN01
ggacaggctgccgcaggagccaggccgggagcagggtggtggaagacagacctgtaggtgg
aagaggcttcgggggagccggagaactgggccagacccacaggtgcaggctgccctgtc
tgcgcttcagtcgtgggcgaagcctgaggaagagagagaggctcaaggaagagagga
tgaggcaggagaatcgcttgaaccocggaggcggaggttcagtgagcogagattacgcc
accgactccagcctgggagcagagtgagactccatctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
>CLN02
ctcacacagatgctgcgcacaccagtggttgaacaatgccgtttgcctccttcaggtct
gaagcctgaggtgcgctcgtggtcagtgaaagaggcagaaagagagagaggctcaagga
tgcgcttcagtcgtgggcgaagcctgaggaagagagagaggctcaaggaagagagga
tagtcattcatataaaattgaacacacctgctgtgcctagacaagtgctttctgtaaga
gctgtaactctgagatgtgctaataaacctctttctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
```

```
例 2
>CLN01
ggacaggctgccgcaggagccaggccgggagcagggtggtggaagacagacctgtaggtgg
aagaggcttcgggggagccggagaactgggccagacccacaggtgcaggctgccctgtc
tgcgcttcagtcgtgggcgaagcctgaggaagagagagaggctcaaggaagagagga
tgaggcaggagaatcgcttgaaccocggaggcggaggttcagtgagcogagattacgcc
accgactccagcctgggagcagagtgagactccatctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
//
>CLN02
ctcacacagatgctgcgcacaccagtggttgaacaatgccgtttgcctccttcaggtct
gaagcctgaggtgcgctcgtggtcagtgaaagaggcagaaagagagagaggctcaagga
tgcgcttcagtcgtgggcgaagcctgaggaagagagagaggctcaaggaagagagga
tagtcattcatataaaattgaacacacctgctgtgcctagacaagtgctttctgtaaga
gctgtaactctgagatgtgctaataaacctctttctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
//
```


TPA 塩基配列の入力画面

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. ...

Did you determine the nucleotide sequence by yourself?

YES

No, whole or a part of nucleotide sequence(s) were constructed by you (Third Party Annotation)

TPA submission (Third Party Annotation)
Your nucleotide sequence(s) are being submitted to TPA

Sequences

Please paste nucleotide sequence to the text area below. You can paste multiple sequences concatenated in FASTA format.

```
>FA01
atcgctcggaaggtcttogaagagctggtcacagccaccaaatccttttgaaccaagcc
atcatggatagcttcgggcatatcagtgcd
ctggcgcagaaactggccccgagcttgatc
gatggcgagacctcggacaaccggccgctc
tacaanaacgcccgcagcttcagtggtat
tactgtctcgcacacgcgcctt
tcggtcccggctctacgagctccggagcaag
agccccgacgtttgcgctgatatcggcagag
gctcctcgggggggggggggggggggggggg
ggcggcatggcgtcgaatgtaggcaaatccgtcggggaggtcgtcttccggccttc
tatctcagcaggaagcagcagcgtcaccgcccgttgaagatcggcaatgtcaaatc
```

Or upload sequences from here

参照...

Assembly Information

Please paste assembly information, which consists of base pair spans of the primary sequences and information on TPA sequence spans, to the text area below.

TPA_SPAN	PRIMARY_IDENTIFIER	PRIMARY_SPAN	COMPLEMENT
FA01 1..552	ZZ000001.1	54872..55422	
553..705	ZZ000002.5	1..153	
BM123 1..438	ZZ000010.1	1..438	
377..695	ZZ000011.1	1..320	c
411..790	ZZ000021.12	1..398	
790..1191	ZZ000022.0	1..401	

Or upload assembly information file from

参照...

Next

August 31, 2012

自身で塩基配列を決定したのではなく、公開されている塩基配列を引用して塩基配列を構築した場合は No を選択してください
TPA登録に切り替わります

塩基配列をここにペーストします。

TPA配列の構築情報 (Assembly Information)をここにペーストします

または、塩基配列ファイルをここからuploadします。

または、Assembly Information のファイルをここから upload します

入力後、Next をクリックします

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後もブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

TPAにおける Assembly Information の書式

入力例

	TPA_SPAN	PRIMARY_IDENTIFIER	PRIMARY_SPAN	COMPLEMENT
FA01	1-552	ZZ000001.1	54872-55422	
	553-705	ZZ000002.5	1-153	
BM123	1-438	ZZ000010.1	1-438	
	377-695	ZZ000011.1	1-320	c
	411-790	ZZ000021.12	1-398	
	790-1191	ZZ000022.0	1-401	

Entry
Name

TPA 配列上の
location を記載

プライマリーエントリ
のアクセッション番号
をバージョン番号とと
もに入力する。

プライマリーエントリ
の領域を入力する。

相補鎖に対応
する場合のみ
c を記載

<入力例の意味>

Entry name FA01 において;

TPA塩基配列 1-552 の領域は ZZ000001.1 の 54872-55422 に対応

TPA塩基配列 553-705 の領域は ZZ000002.5 の 1-153 に対応

Entry name BM123 において

TPA塩基配列 1-438 の領域は ZZ000010.1 の 1-438 に対応

TPA塩基配列 377-695 の領域は ZZ000011.1の 1-320 の相補鎖側に対応

TPA塩基配列 411-790 の領域は ZZ000021.12の 1-398 に対応

TPA塩基配列 790-1191 の領域は ZZ000022.0 の 1-401 に対応

いずれも TPA とプライマリーエントリの配列アラインメントに関する規則に従います

Assembly Information 入力規則

- 第1行目は

[tab or space]TPA_SPAN[tab or space]PRIMARY_IDENTIFIER[tab or space]PRIMARY_SPAN[tab or space]COMPLEMENT
である必要があります

- 空行は指定しないでください

- Entry name は第1列に記載します、Entry name のある行でエントリーごとのAssembly情報が区切られることになります。

- TPA_SPAN

書式: X..Y もしくは、X-Y (X, Yは数字、X<Y であることが必要)

TPA 配列上の領域を記載します。

例: 100..2000

例: 3400-4000

- PRIMARY_IDENTIFIER

書式: accession number.version

引用するプライマリエントリのアクセッション番号をバージョン番号とともに入力します。未公開のアクセッション番号の場合はバージョン番号を0にしてください。

例: AB123456.1

例: AB987654.0

- PRIMARY_SPAN

書式: X..Y もしくは、X-Y (X, Yは数字、X<Y であることが必要)

プライマリエントリからの引用領域を入力します。抜き出した領域が TPA_SPAN の領域と対応している必要があります。

例: 1..3345

例: 900-1235

- COMPLEMENT

書式: 空欄もしくは c

プライマリエントリから相補鎖領域を引用する場合にのみ c を指定します。

6. Template

① 配列を決定した生物の taxonomic division をリストから選んでください。オルガネラ由来の場合は、名称に 'organelle' が含まれるものを選択していただくと source フィーチャー配下に /organelle が自動的に加えられます。source フィーチャー配下に記載可能なクオリアファイアは、選択された taxonomic division により異なります。

適切な taxonomic division が見つからない場合は、"Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)" を選択してください。Plant/Fungi では殆どのクオリアファイアが使用可能なためです。

(リンク: taxonomic divisionsについて

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/locus-j.html#division>)

② 利用可能な annotation template が下に表示されます。適切な template を選択し、"Input annotation" をクリックしてください。

上記リストに該当する項目がない場合に "other" を選択します。この場合、テーブル形式のアノテーション入力は利用できません。

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページの URL を保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークした URL を用いて、再開することが可能です。

Please select one that matches to the annotation of the sequence.
We have templates for some typical submissions as shown below.
You can proceed with them if you wish.

Bacteria (including both eubacteria & archaea)

- protein-coding sequence (CDS), single CDS
- protein-coding sequence (CDS), multi-CDS (until 3 CDSs)
- intergenic spacer (IGS)
- internal transcribed spacer (ITS)
- ribosomal RNA for 16S rRNA
- ribosomal RNA, other
- transfer RNA (tRNA)
- non-coding RNA (ncRNA)
- cannot be described any other feature keys (use of misc_feature)
- other

① Taxonomic division

- Bacteria (including both eubacteria & archaea)
- Environmental Sample
- Human
- Human organelle
- Invertebrate
- Invertebrate organelle
- Mammal (other than primates & rodents)
- Mammalian (other than primates & rodents) organelle
- Phage
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals) organelle
- Primate (other than human)
- Primate (other than human) organelle
- Rodent
- Rodent organelle
- Synthetic sequence
- Virus
- Vertebrate (other than mammals)
- Vertebrate (other than mammals) organelle

Input annotation Upload annotation file

選択後、"Input annotation" をクリックすると "7. Annotation" ページに遷移します。

このページにおいてテンプレートを変更した場合、7.Annotation で入力した内容は失われます。

7.Annotation

表形式アノテーション入力画面では4種類の入力方法が存在します

- [Editアイコンをクリック\(推奨\)](#)
- [セルをダブルクリック](#)
- [Qualifierの編集アイコンをクリック](#)
- [Edit Columnをクリック](#)

submission ID

1. ... 3. Submitter ... 4. Refe ... 7. Annotation ... 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

登録件数

Qualifierを選択します

	source ?	/organism ?	/mol_type ?	/strain ?	Location	/product ?	Other information
	length(bp)	[Edit Column]	[Edit Column]	[Edit Column]	[Edit Column]	[Edit Column]	
ENT01	1472				<1..1472	16S ribosomal RNA	
ENT02					<1..1311	16S ribosomal RNA	
ENT03					<1..585	16S ribosomal RNA	
ENT04					<1..585	16S ribosomal RNA	
ENT05	1466		genomic DNA		<1..1466	16S ribosomal RNA	
ENT06	1477				<1..1477	16S ribosomal RNA	
ENT07	585				<1..585	16S ribosomal RNA	
ENT08			genomic DNA		<1..1483	16S ribosomal RNA	
ENT09			genomic DNA		<1..585	16S ribosomal RNA	
ENT10			genomic DNA		<1..585	16S ribosomal RNA	

Qualifier編集アイコンのクリックで列ごとの編集が行えます

Editクリックで、各エントリーごとの編集が可能です

列ごとの編集が行え、copy & pasteによる一括入力が可能です

各セルをダブルクリックし、入力・編集が可能です

塩基配列入力時に指定したEntry nameが表示されます

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

Confirm Next

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

例 16S rRNAアノテーションの入力

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person >> 2. Hold date >> 3. Submitter >> 4. Reference >> **7. Annotation** >> 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

	length(bp)	/organism ? [Edit Column]	/mol_type ? [Edit Column]	/strain ? [Edit Column]	Location [Edit Column]	/product ? [Edit Column]	Other information
ENT01 Edit	1472		genomic DNA			S ribosomal RNA	
ENT02 Edit	1313		genomic DNA			S ribosomal RNA	
ENT03 Edit	585		genomic DNA			S ribosomal RNA	
ENT04 Edit			genomic DNA		<1..>585		
ENT05 Edit			genomic DNA		<1..>1466		
ENT06 Edit			rRNA feature		<1..>1477		
ENT07 Edit	585				<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 Edit	1483				<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 Edit					<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 Edit			genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	

Confirm Next

Last modified: September 12, 2012

1. クリックして、必要な qualifierを追加しておきます。

2. Editアイコンをクリックします。

必須feature、qualifierが初期値として選択されています。

追加情報がある場合に自由記載が可能です。

rRNA featureの location、プロダクト名が初期値として記載されます。

クリックするとアノテーションをチェックが始まります。

アノテーションチェックで問題がなくなる限り、クリック不可能になっています。

- Link:
- ◆ [Feature key の定義](#)
 - ◆ [Qualifier key の定義](#)
 - ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
 - ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後もブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Qualifierを追加するにはSelect Qualifierアイコンをクリックします

The screenshot shows a dialog box titled 'source' with two sections: 'Recommended Qualifiers' and 'Optional Qualifiers'. The 'Optional Qualifiers' section contains a list of checkboxes for various qualifiers. A red callout box points to the 'PCR_primers' checkbox, which is currently unchecked. The 'Save' button at the bottom right is circled in red.

Qualifier	Checked
sub_species	<input type="checkbox"/>
serotype	<input type="checkbox"/>
serovar	<input type="checkbox"/>
variety	<input type="checkbox"/>
isolate	<input type="checkbox"/>
culture_collection	<input type="checkbox"/>
chromosome	<input type="checkbox"/>
plasmid	<input type="checkbox"/>
clone	<input type="checkbox"/>
clone_lib	<input type="checkbox"/>
collected_by	<input type="checkbox"/>
identified_by	<input type="checkbox"/>
host	<input type="checkbox"/>
isolation_s	<input type="checkbox"/>
lab_ho	<input type="checkbox"/>
m..._type	<input type="checkbox"/>
PCR_primers	<input type="checkbox"/>
db_xref	<input type="checkbox"/>
note	<input type="checkbox"/>

追加したいqualifier横のチェックボックスにチェックを加えて、Save をクリックすると、qualifierを追加できます。

qualifierを消す場合は、チェックを外します。値が入力されたqualifierの消去を行う場合"確認ダイアログ"が出現しますので、"OK"をクリックすると消去できます。

アノテーションに必須なqualifierは消去不可能です

templateの種類により、選択可能なqualifierは異なります。

Link:

[7.Annotation](#)

[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

Link:

◆ [Feature key の定義](#)

◆ [Qualifier key の定義](#)

◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)

◆ [CDS feature について](#)

"Edit"クリック時の編集画面

ENT01	Edit	1472		genomic DNA	<1..>1472	16S ribosomal RNA
ENT02	Edit	1313		genomic DNA	<1..>1313	16S ribosomal RNA
ENT03	Edit					
ENT04	Edit					
ENT05	Edit					
ENT06	Edit					
ENT07	Edit					
ENT08	Edit					
ENT09	Edit					
ENT10	Edit					

ENT01

source

Category: Select only for virus, environmental sample, etc.

/organism Scientific name:

/mol_type genomic DNA

/strain

rRNA

Location <1..>1472

/product 16S ribosomal RNA

Cancel Save

生物名を学名で入力
します

strainを入力します

rRNAのlocationが配列全長として自動的に設定されます。必要に応じて修正します。

























16S rRNAのテンプレート選択している
ので、プロダクト名は初めから入力済
みになっており修正不可能です。

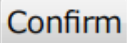

入力後、Saveをクリックします

Link:
[7.Annotation](#)
[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)
[Organism nameを入力するには](#)

1件目入力完了時

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source  				rRNA  		Other information
	length(bp)	/organism  	/mol_type  	/strain  	Location  	/product  	
ENT01 	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 	1313		genomic DNA		<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 			genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 			genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 			genomic DNA		<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 			genomic DNA		<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 	1483		genomic DNA		<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	

2件名以降も、1件目と同様に Editアイコンをクリックして入力を行い、アノテーション入力を完了させてください。

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後もブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source ? Select Qualifier			rRNA ? Select Qualifier		Other information
	length(bp)	/organism ? [Edit Column]	/mol_type ? [Edit Column]	/strain ? [Edit Column]	Location [Edit Column]	
ENT01 Edit	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA
ENT02 Edit	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA
ENT03 Edit	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA
ENT04 Edit	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA
ENT05 Edit	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA
ENT06 Edit	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA
ENT07 Edit	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7		
ENT08 Edit	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8		
		HM9	genomic DNA	HM9		
		HM10	genomic DNA	HM10		

annotation入力後、Confirmをクリックします。

チェック後、次のステップに進める場合のみ、"Next"がクリック可能になります。
アノテーションチェックで問題がある場合はクリックできません。

Confirm Next

Link:

["Confirm"クリック後: Error無し](#)

["Confirm"クリック後: Warningがあるが次に進める場合](#)

["Confirm"クリック後: Errorがある場合](#)

[CDSの翻訳エラーとその説明ページへのリンク](#)

[プログレスバーについて](#)

[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Templateでotherを選択した際のアノテーション入力

表形式の入力ではなく、必要なフィーチャー、クオリアファイアを自身で選択する必要があります。

“Edit”クリックで、エントリーごとの編集が行えます。

クリックすると、sourceフィーチャーに選択されたクオリアファイアが次のエントリー以降にコピーされます。

“Select Qualifier”クリックで、qualifierを追加できます。

“Comment”クリックで、必要に応じ、追加情報を自由記載で入力することが可能です。

featureを追加するには、Add featureをクリックします。フィーチャーリストからマウスで選択、クリックすると追加可能です。

クオリアファイアを直接クリックすることでも入力ウインドウが開いて編集可能になります。

アノテーションチェックで問題がなくなる限り、クリック不可能になっています。

全エントリーに対して、クリックしたクオリアファイア値の編集が行えます。

クリックするとアノテーションチェックが始まります。

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation

3. Editをクリックして source featureを入力します

Protein Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » **7. Annotation** » 8. Finish

Submit ID: 5062d65f55d69844ff000a14

Ent01

source

length=17799
genetic code=
/organism=
/mol_type=
/country=
/isolate=
/organelle=

Ent02

source

length=5867
genetic code=
/organism=
/mol_type=

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

1. "Select Qualifier"で、qualifierを選択します。
この例では、
country
isolate
organelle
を追加しました。

2. 次のエントリー以降に、sourceで選択したqualifierを
コピーしたい場合には、このアイコンをクリックします。
なお、qualifierの値はコピーされません。

Link:

[Qualifierを追加するには
"Edit"クリック時の編集画面](#)

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Ent01

source

Category: Select only for virus, environmental sample, etc.

/organism: Dugesia japonica

/mol_type: genomic DNA

/country: Japan:Shizuoka

/isolate: DJ-01

/organelle: mitochondrion

genetic code: 9

4. ここをクリックし、追加したい feature をリストから選択します。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Annotation > 7. Annotation > 8. Finish

Submission ID: 5062d65f55d69844ff000a14 Entry counts: 2

Ent01

source

length=17799
genetic code=9

/organism=Dugesia japonica
/mol_type=genomic DNA
/country=Japan:Shizuoka
/isolate=DJ-01
/organelle=mitochondrion

Ent02

source

length=5867
genetic code=

/organism=
/mol_type=
/country=
/isolate=
/organelle=

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: September 26, 2012

5. feature 配下に追加する qualifier を選択します。

- CDS
- location=1..17799
/codon_start=1
- Add feature
- attenuator
 - C_region
 - CAAT_signal
 - CDS**
 - centromere
 - D-loop
 - D_segment
 - enhancer
 - exon
 - gap
 - GC_signal
 - iDNA
 - intron
 - J_segment
 - LTR
 - mat_peptide
 - misc_binding
 - misc_difference
 - misc_feature

CDS **Select Qualifier**

location=1..17799
/codon_start=1
/gene=
/product=

Add feature

6. locationを修正します。クリックすると入力ウィンドウが現れるので、値を入力します。

7. qualifier値を編集します。qualifierをクリックすると入力ウィンドウが現れるので、値を入力します。

CDS featureでは/codon_start=1 が初期値として表示されています。必要により、値の修正を行います。



CDS **Select Qualifier**

location=<1..1158
/codon_start=1
/gene=cytb
/product=cytochrome b

Add feature

8. 続いて、featureを追加します。

タブ区切りテキストファイルからアノテーションをアップロードするには

① 配列を決定した生物の taxonomic division をリストから選んでください。オルガネラ由来の場合は、名称に 'organelle' が含まれるものを選択してください。source フィーチャー配下に記載可能なクオリファイアは、選択された taxonomic division により異なります。適切な taxonomic division が見つからない場合は、"Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)" を選択してください。Plant/Fungi では殆どのクオリファイアが使用可能なためです。

(リンク: taxonomic divisionsについて

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/locus-j.html#division>)

② アノテーションをタブ区切りテキストファイルを使ってアップロードする場合は "other" を選択します。

Please select one that matches to the annotation of the sequence.

We have templates for some typical submissions as shown below. You can proceed with them if you wish.

Bacteria (including both eubacteria & archaea)

- protein-coding sequence (CDS), single CDS
- protein-coding sequence (CDS), multi-CDS (until 3 CDSs)
- intergenic spacer (IGS)
- internal transcribed spacer (ITS)
- ribosomal RNA for 16S rRNA
- ribosomal RNA, other
- transfer RNA (tRNA)
- non-coding RNA (ncRNA)
- cannot be described any other feature keys (use of misc_feature)
- other

① Taxonomic division

- Bacteria (including both eubacteria & archaea)
- Environmental Sample
- Human
- Human organelle
- Invertebrate
- Invertebrate organelle
- Mammal (other than primates & rodents)
- Mammalian (other than primates & rodents) organelle
- Phage
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals) organelle
- Primate (other than human)
- Primate (other than human) organelle
- Rodent
- Rodent organelle
- Synthetic sequence
- Virus
- Vertebrate (other than mammals)
- Vertebrate (other than mammals) organelle

Input annotation

Upload annotation file

選択後、“Upload annotation file” をクリックします

このページにおいてテンプレートを変更した場合、7.Annotation で入力した内容は失われます。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » **7. Annotation** » 8. Finish

Submission ID: 5045715055d698dd9f001178 Entry counts: 2

File upload

Site Policy | Privacy Policy | Data Bank of Japan Last modified: August 31, 2012

annotation file を指定します

"Upload & Confirm" をクリックして annotation file のチェックを行います。

Upload 可能な annotation file について

- ✓ annotation file の例に関しては、[サンプルアノテーションファイル](#) ページをご覧ください。
- ✓ annotation file には、アノテーション部のみを含めてください。
- ✓ WGS、CON、AGP、EST、GSS、STS、HTG、HTC、TSA ファイルのuploadには対応していません。これらの登録については、[大量登録システム\(MSS\)](#) をご利用ください。
- ✓ 1. Contact person、2. Hold date、3. Submitter、4. Reference に記載された内容は、COMMON 情報として upload された annotation file の先頭に加えられます。
- ✓ COMMON が annotation file 内に記載されていた場合は、1. Contact person、2. Hold date、3. Submitter、4. Reference に記載された内容に置き換わります。
- ✓ TPA 登録においては、PRIMARY_CONTIG を annotation file に含めないでください。5. Sequence 中の Assembly Information の入力内容が自動的に変換され、annotation file の各エントリーに挿入されます。

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

Uploadするannotation fileの例

この部分は不要、
annotation file に含まれてい
た場合は、

1. Contact person
2. Hold date
3. Submitter
4. Reference

の入力内容に置き換わりま
す。

COMMON	SUBMITTER		contact	Hanako Mishima
			ab_name	Mishima,H.
			ab_name	Yamada,T.
			ab_name	Park,C.S.
			ab_name	Liu,G.Q.
			email	mishima@ddbj.nig.ac.jp
			phone	81-55-981-6853
			fax	81-55-981-6849
			institute	National Institute of Genetics
			department	DNA Data Bank of Japan
			country	Japan
			state	Shizuoka
			city	Mishima
			street	Yata 1111
			zip	411-8540
	REFERENCE		ab_name	Mishima,H.
			ab_name	Yamada,T.
			ab_name	Park,C.S.
			ab_name	Liu,G.Q.
			title	Aquaporin genes
			year	2012
			status	Unpublished
	DATE		hold_date	20131130
ENT01	source	1..2878	organism	Homo sapiens
			isolate	FA01
			mol_type	mRNA
			tissue_type	liver
	CDS	217..1104	gene	AQP9
			product	aquaporin 9
	3'UTR	1105..2878		
	polyA_signal	2857..2862		
	polyA_site		2878	
ENT02	source	1..1409	organism	Shigella flexneri
			strain	BM123
			mol_type	genomic DNA
	CDS	<1..1051	gene	APQZ
			product	aquaporin Z
			transl_table	11
			codon_start	2

Biological featureが記載
されたこの領域、つまり、各
エントリーのアノテーショ
ンのみを uploadしてくだ
さい

annotation file の Upload & Confirm後 Errorが無い場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step

Submission ID: 5062d65f55d69844ff000a14 Entry counts: 60

File upload

1:	COMMONSUBMITTER	contact	Hanako Mishima
2:		ab_name	Mishima,H.
3:		email	mishima@nig.ac.jp
4:		url	http://www.ddbj.nig.ac.jp
5:		phone	81-55-981-6849
6:		fax	81-55-981-6838
7:		institute	National Institute of Genetics
8:		department	DDBJ center, DDBJ
9:		country	Japan
10:		state	Shizuoka
11:		city	Mishima
12:		street	1111 Yata
13:		zip	411-8540
14:	REFERENCE	title	New submission tool
15:		ab_name	Kosuge,T.
16:		status	Unpublished
17:		year	2012
18:	DATE	hold_date	20130326

アノテーションのチェックが行われた後、画面下にアノテーションファイルが表示されます。

COMMONの領域は、1.Contact person～4.Referenceページで入力した内容に置き換えられます。

エラーが無い場合は"[Next](#)"がクリック可能になります。

Warningがある場合でも、"[Next](#)"がクリック可能になりますが、必要に応じて修正を行ってください。

Link:

[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合

修正したannotation fileを指定し、
"Upload & Confirm" を繰り返します。
Errorがなくなるまで繰り返します。

Errorがなくなると"Next"がクリック
可能になります。
Warningが生じた場合でも入力内
容に問題がなければ、"Next"をク
リックしてください。

Line番号のクリックでError対象
行にジャンプします。

Error/Warning内容が表示され
ます。

Errorの説明ページが
開きます。

画面下部にDBJ登録形式のannotation
fileが表示されます。
エラー対象は赤色で表示されます。

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページ
のURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用
いて、再開することが可能です。

Submission
File Upload
参照...

6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Upload & Confirm Next

Level	Message
Line: 24	error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.ddd] N[S d[dd.ddd] W[E].
Line: 29	error Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country].
1:	COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge
2:	ab_name Kosuge,T.
3:	ab_name Kosugi,T.
4:	nig.ac.jp 2-1234 8 Institute of Ge center, DDBJ
9:	country Japan
10:	state Shizuoka
11:	city Mishima
12:	street 1111 Yata
13:	zip 305-0856
14:	REFERENCE title New submission tool
15:	ab_name Kosuge,T.
16:	ab_name Mishima,I.
17:	status Unpublished
18:	year 2012
19:	DATE hold_date 20130314
20:	ENT01 source 1..1472 organism Bacillus sp. HM1
21:	mol_type genomic DNA
22:	strain HM1
23:	country Japan: Shizuoka
24:	lat_lon 35.13 N 138.91 R
25:	rRNA <1..>1472 product 16S ribosomal RNA
26:	ENT02 source 1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27:	mol_type genomic DNA
28:	strain HM2
29:	country Japan-Shizuoka
30:	lat_lon 35.13 N 138.91 E
31:	rRNA <1..>1313 product 16S ribosc

Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます

DDBJ Nucleotide Sequence Submission [Help](#) [Help](#)

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Submission ID: 5062d65f55d69844f000a14 Entry counts: 60

Submission Files

- [Download Fasta File](#)
- [Download Ann File](#)
- [Download Transaction File](#)

Contact person

Email	tkosuge@nig.ac.jp
Name	Hanako Mishima
Country	Japan
Fax	55-981-6838
Phone	55-981-6849
Phone extension	
Institution	National Institute of Genetics
Department	DDBJ center, DDBJ
Zip code	411-8540
State (Prefecture)	Shizuoka
City	Mishima
Address (Street)	1111 Yata

Publication

Hold date	2013-03-26
-----------	------------

Submitters

Name	Mishima, H.
Email	tkosuge@nig.ac.jp

References

Status	Unpublished
Year	2012
Reference Title	New submission tool
Name	Kosuge, T.

Submission information

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: September 26, 2012

これまでに入力してきた内容をテキストファイルで閲覧可能です。

問題がなければ、どちらかのSubmit to DDBJをクリックします。
[8. Finish画面](#)に移動します。

必要に応じ、この欄に追加情報を自由に記載できます。

Link:
[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック annotation file の Upload & Confirm後 Errorが無い場合](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

8. Finish

このページの URL をブックマークしてください。一定期間閲覧が可能です。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » **8. Finish** [HELP]

Submission completed!

The nucleotide data are now transferred to DDBJ.

You will soon have a confirmation email from sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp.

If you do not receive any response from DDBJ in 5 working days, please send an email to sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of this submission.

You can download the submission files from the link

- [Download fasta File](#)
- [Download Ann File](#)
- [Download Transaction File](#)

Thank you.
DDBJ
sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Site Policy / Privacy Policy / Bank of Japan

Last modified: September 12, 2012

DDBJに登録ファイルが転送されました。この画面が出れば登録完了です。同時に、[登録完了のメール](#)が自動送信されます。

入力した内容をDDBJ登録形式でダウンロードできますので、ファイルの保存を行ってください。同じファイルがDDBJサーバーに自動転送されますので、これらのファイルをDDBJにお送りいただく必要はありません。

本システムにおいて問題が生じ場合は、このメールアドレス宛てに連絡を行ってください。

Link:

[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

登録完了メールが送信されます

From: sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp
Subject: DDBJ: Web submission completed

Contact person : mishima@nig.ac.jp
Hanako Mishima
National Institute of Genetics
DDBJ center, DDBJ
1111 Yata
Mishima, Shizuoka, 411-8540
Japan

Thank you very much for choosing DDBJ for data submission.

We have received your data. We will soon check and annotate them on the basis of the manual and rules common to the DDBJ, EMBL-Bank, and GenBank.

If you do not hear from DDBJ after 5 working days after receiving this notice, please contact us at the following address indicating your Entry Name.

Email address: sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Sincerely,

DNA Data Bank of Japan
DDBJ Center
National Institute of Genetics
Research Organization of Information
and Systems
Mishima, Shizuoka 411-8540, Japan
fax: +81-55-981-6849

[Hold-date]
2013-03-29

[Entry ID]
5065382e55d69849870005fe.entry01
5065382e55d69849870005fe.entry02

Link:

[8. Finish](#)

入力欄に関する説明

Qualifierの編集アイコンをクリック

organism

ENT01
Copy
Category: ---
Scientific name: Bacillus sp. HM1

ENT02
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

ENT03
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

ENT04
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

ENT05
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

ENT06
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

ENT07
Copy
Category: ---
Scientific name: Try NCBI tax search

Cancel Save

クリックしたqualifierにおいて全エントリーに対しての編集が可能です。

Copy クリックで、そのエントリー以降に同じ値がコピーされます。ただし、件数が多い場合やPCの環境により時間がかかる場合があります。

編集後"Save"をクリックします

Link:

[7.Annotation](#)

[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

Edit Column

テキストエリア上への一括pasteが可能

表の列ごとに、各入力欄の編集が可能です。

source - strain

ENT01	HM1
ENT02	HM2
ENT03	HM3
ENT04	HM4
ENT05	HM5
ENT06	HM6
ENT07	HM7
ENT08	HM8
ENT09	HM9
ENT10	HM10

Cancel Save

このテキストエリアに、直接入力するか、エクセルやテキストエディタなどからcopy & pasteしてください。エントリーの区切りには改行を用います。

編集後"Save"をクリックします

Link:

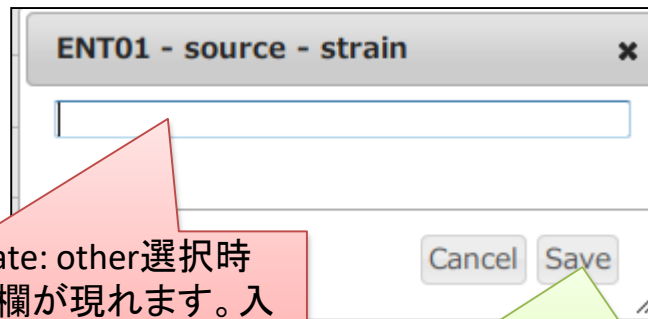
[7.Annotation](#)

[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

セルのダブルクリック

Template: other選択時qualifierをクリック



セルのダブルクリック(Template: other選択時はqualifierのクリック)で入力欄が現れます。入力ウィンドウに対して必要な値を入力してください

編集後"Save"をクリックします

Link:

[7.Annotation](#)

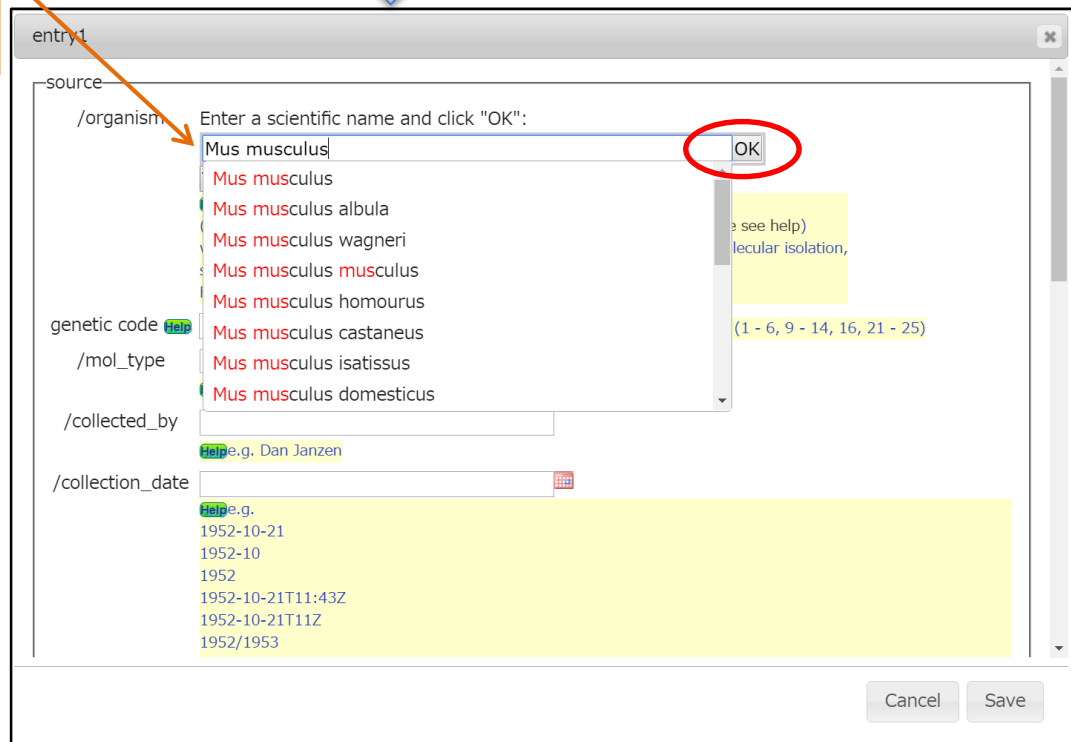
[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

organism name を入力するには

“Edit” をクリックします

ここに学名を入力します。学名をタイプしていきますとGenBank taxonomy databaseからの候補が表示されるので選択後、OK をクリックします。



The screenshot shows a window titled "entry1" with a form for editing an entry. The "source" section has a field for "/organism" with the text "Enter a scientific name and click 'OK':". Below this field is a text input containing "Mus musculus" and a dropdown menu showing a list of suggestions: "Mus musculus", "Mus musculus albula", "Mus musculus wagneri", "Mus musculus musculus", "Mus musculus homourus", "Mus musculus castaneus", "Mus musculus isatissus", and "Mus musculus domesticus". An "OK" button is circled in red. Other fields include "genetic code" (with a "Help" icon), "/mol_type", "/collected_by" (with a "Help" icon and "e.g. Dan Janzen"), and "/collection_date" (with a "Help" icon and a list of dates: "1952-10-21", "1952-10", "1952", "1952-10-21T11:43Z", "1952-10-21T11Z", "1952/1953"). At the bottom right are "Cancel" and "Save" buttons.

taxonomy database にない organism を入力するには

入力したorganism nameがGenBank taxonomy database がない場合、OK クリック後”Category:” 選択欄が表示されます。Category のリストから 適切な内容を選択後、lineageやvalid publication などの情報を入力してください。

Link: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Organism nameがGenBank taxonomy database にある場合にはgenetic codeが自動入力されま すが、ない場合には手動で入力する必要があります。

Genetic codeには整数値 (例 1 for universal、11 for Bacteria、2 for vertebrate mitochondrion、5 for invertebrate mitochondrion)を入力してください。

The screenshot shows the 'entry1' form in GenBank. The 'source' section is expanded to show the 'organism' field. The 'Scientific name' is 'Pseudomonas sp. SP100'. The 'Category' dropdown menu is open, showing options: 'The name is valid but not registered in taxonomy database', 'Species is not identified' (highlighted in blue), and 'Pathogenic virus'. Below the dropdown, there are checkboxes for 'Valid publication' and 'Proposing the name for the novel species'. The 'genetic code' field is set to '11'. The 'collected_by' field is set to 'Dan Janzen'. The 'Save' button is visible at the bottom right.

Category: The name is valid but not registered in taxonomy database

taxonomy database に未登録だが学名が確立している場合

Example

/organism Scientific name:
Eophileurus japonicus
Try NCBI tax search
Category: The name is valid but not registered in taxonomy database ?
Taxonomic lineage (mandatory) ?:
Insecta; Dicondylia; Pterygota; Neoptera;
Endopterygota; Coleoptera; Polyphaga;
Scarabaeiformia; Scarabaeoidea;
Scarabaeidae; Dynastinae; Eophileurus
Valid publication (mandatory) ?:
PMID
1234567890
Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional) ?:

Valid publication を入力します (必須)

PMID
PubMed IDで入力する際には、リストからPMID
を選択し、PubMed ID をテキストボックスに入力
します

DOI
Digital object identifier (DOI) で入力する際には、
リストからDOIを選択し、DOIの番号をテキスト
ボックスに入力します

Accession number
過去に同じorganism由来の塩基配列を登録し
たことがあれば、リストからAccession numberを
選択しアクセッション番号をボックスに記載して
ください

noID
文献・論文にPMIDまたはDOIが無いまたは不明
な場合、リストで noID を選択タイトル、著者名、
年、巻数、ページ、ジャーナル名を入力してくだ
さい

Taxonomic lineageを入力してください。Lineage
については NCBI tax search を利用して検索でき
ます(必須)

Organismに関する追加情報を入力して
ください(任意)



Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Species is not identified

種同定不能な場合

/organism Scientific name:

Category: 
Taxonomic lineage (optional) :

Taxonomic lineageを入力してください。Lineage
については NCBI tax search を利用して検索でき
ます(任意)

Link:
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Pathogenic virus

病原性ウイルス

/organism Scientific name:
Influenza A virus (A/duck/Thailand/dj10000/2013(H1N3))
Try NCBI tax search
Category: Pathogenic virus
Taxonomic lineage (optional):
Viruses; ssRNA viruses; ssRNA negative-strand viruses; Orthomyxoviridae; Influenzavirus A; Influenza A virus;

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Valid subspecies or variety not registered in taxonomy database

三名法で記載する場合

Valid publication を入力します (必須)

PMID

PubMed IDで入力する際には、リストからPMIDを選択し、PubMed IDをテキストボックスに入力します

DOI

Digital object identifier (DOI) で入力する際には、リストからDOIを選択し、DOIの番号をテキストボックスに入力します

Accession number

過去に同じorganism由来の塩基配列を登録したことがあれば、リストからAccession numberを選択しアクセッション番号をボックスに記載してください

noID

文献・論文にPMIDまたはDOIが無いまたは不明な場合、リストでnoIDを選択タイトル、著者名、年、巻数、ページ、ジャーナル名を入力してください

/organism

Scientific name:

Eophileurus chinensis shizuokaensis

Try NCBI tax search

Category: Valid subspecies or variety not registered in taxonomy database

Taxonomic lineage (mandatory):

Insecta; Dicondylia; Pterygota; Neoptera;
Endopterygota; Coleoptera; Polyphaga;
Scarabaeiformia; Scarabaeoidea;
Scarabaeidae; Dynastinae; Eophileurus

Taxonomic lineageを入力してください。LineageについてはNCBI tax searchを利用して検索できません(必須)

Valid publication (mandatory):

PMID

1234567890

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional):

亜種名に関する追加情報を入力してください(任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Proposing the name for the novel species

提唱準備中の新種

/organism

Scientific name:
Pseudomonas sp. ddbj100
OK
Try NCBI tax search

Category: Proposing the name for the novel species

Proposed name for the novel species (mandatory):
Pseudomonas mishimaensis

Taxonomic lineage (mandatory):
Bacteria; Proteobacteria;
Gammaproteobacteria; Pseudomonadales;
Pseudomonadaceae; Pseudomonas

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional):
Pseudomonas mishimaensis sp. nov.
We are planning the new name by our paper

新種提唱の場合、/organismには仮の名称を入力します。新種がvalidになるまでのあいだは、仮名称で登録します。

論文で提唱予定の新学名 (proposed name) を入力してください (必須)

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます (必須)

新種として提唱することなど、organismに関する追加情報を入力してください (任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Obtained by direct molecular isolation from environmental sample
環境サンプル

/organism Scientific name:

uncultured active sludge bacterium

OK

Try NCBI tax search

Category: Obtained by direct molecular isolation from environmental sample ?

Taxonomic lineage (mandatory) ?:

Bacteria; Firmicutes; Bacilli;
Bacillales; Bacillaceae; Bacillus;

Taxonomic lineageを入力してください。Lineage
については NCBI tax search を利用して検索でき
ます(必須)

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional) ?:

DNA extracted from active sludge samples.

サンプルに関する情報を入力して
ください(任意)

Link:
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Artificially constructed or synthesized sequence
人工的に構築した配列

/organism Scientific name:
Cloning vector pDDBJ
Try NCBI tax search
Category: Artificially constructed or synthesized sequence ?
Expected usage and/or how the nucleotide sequence was constructed (optional) ? :
A new pUC-derived cloning vector
合成配列の情報を入力してください(任意)

Link:
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Error/Warning説明ページへのリンクについて

Error/Warningの説明は以下のURLでご覧いただけます

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html>

CDSのアミノ酸翻訳に関するエラー説明は以下のURLからご覧ください。

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC>

以下のリンクもご参照ください

- [Feature key の定義](#)
- [Qualifier key の定義](#)
- [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- [CDS feature について](#)

CDSフィーチャーにおける翻訳エラーと説明ページへのリンク

翻訳エラーの内容により、リンク先の記載内容に基づき修正してください

Message	Link
[WARNING] 'codon_start' qualifier should be selected. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC22
[WARNING] 'transl_table' qualifier should be selected. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC23
[WARNING] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not [Met].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC24
[ERROR] Untranslatable codon [#Codon] is found in the sequence range.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC18
[ERROR] First codon [#Codon] is not a start codon.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC19
[ERROR] Final codon [#Codon] is not a stop codon.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC20
[ERROR] Stop codon '*' is found in the range.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC21
[ERROR] Description of Location [#location of CDS feature] is illegal.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC04
[ERROR] 'codon_start' qualifier is duplicated. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC05
[ERROR] 'codon_start' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC06
[ERROR] 'transl_table' qualifier is duplicated. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC07
[ERROR] 'transl_table' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC08
[ERROR] Amino acid abbreviation [#abbreviation] in 'transl_except' qualifier is illegal.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC09
[ERROR] 'transl_except' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC10
[ERROR] Location of 'transl_except' qualifier [#Value] is overlapped.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC11
[ERROR] Location of 'transl_except' qualifier [#Value] is invalid.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC12
[ERROR] Base range of 'transl_except' qualifier [#Value] is mismatched in reading frame.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC13
[ERROR] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not changed from conceptual translation.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC14
[ERROR] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not [TERM].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC15
[ERROR] Stop codon is specified by 'transl_except' qualifier [#Value] in mid of CDS location.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC16
[ERROR] Entry [#Entry name] is NOT found in sequence entries.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC17
[FATAL] Proper 'Codon Table' is not found in 'src' folder.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC01
[FATAL] Proper 'Amino Table' is not found in 'src' folder.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC02
[FATAL] Unable to execute Translation.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC03

“Confirm”クリック後: エラー無し

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish [HELP]

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

	length(bp)	/organism ? [Edit Column]	/mol_type ? [Edit Column]	/strain ? [Edit Column]	Location [Edit Column]	Product [Edit Column]
ENT01 edit	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA
ENT02 edit	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA
ENT03 edit	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA
ENT04 edit	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA
ENT05 edit	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA
ENT06 edit	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA
ENT07 edit	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	<1..>585	16S ribosomal RNA
		sp. HM8	genomic DNA	HM8	<1..>1483	16S ribosomal RNA
		sp. HM9	genomic DNA	HM9	<1..>585	16S ribosomal RNA
		sp. HM10	genomic DNA	HM10	<1..>585	16S ribosomal RNA

1: COMM. SUBMITTER contact Takehide Kosuge
2: ab_name Kosuge,T.
3: ab_name Aosuge,T.

Confirm Next

Next がクリック可能である内容が表示されます。

画面下部にDDBJ登録形式のアノテーションファイルが表示されます。

チェック後、次のステップに進める場合は、Nextがクリック可能になります。

Link:
[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)
[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

エラー、警告メッセージはアノテーション入力領域の下に表示されます

Level	Message
Line: 24	error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.ddd] N]S d[dd.ddd] W[E].
Line: 29	error Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country].
COMMONSUBMITTER	contact Takehide Kosuge
	ab_name Kosuge,T.
	ac.jp
	1234
	tute of Genetics
8:	department DDBJ center, DDBJ
9:	country Japan
10:	state Shizuoka
11:	city Mishima
12:	street 1111 Yata
13:	zip 305-0856
14:	REFERENCE title New submission tool
15:	ab_name Kosuge,T.
16:	ab_name Mishima,I.
17:	status Unpublished
18:	year 2012
19:	DATE hold_date 20130314
20: ENT01	source 1..1472 organism Bacillus sp. HM1
21:	mol_type genomic DNA
22:	strain HM1
23:	country Japan: Shizuoka
24:	lat_lon 35.13 N 138.91 R
25:	rRNA <1..>1472 product 16S ribosomal RN
26: ENT02	source 1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27:	mol_type genomic DNA
28:	strain HM2
29:	country Japan-Shizuoka
30:	lat_lon 35.13 N 138.91 E
31:	rRNA <1..>1313 product 16S ribosomal RN

Line番号のクリックでエラー対象行にジャンプします。

エラー内容が表示されます。

エラーの説明へのリンクページが開きます。

画面下部にDDBJ登録形式のアノテーションファイルが表示されます。
エラー対象は赤色で表示されます。

修正を行う場合は画面をスクロールアップし、annotation入力領域においてエラーが生じたエントリーの修正を行ってください。
エラー修正後、再度"Confirm"をクリックしてください。

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

“Confirm”クリック後：警告あるが次に進める場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source <small>?</small> Select Qualifier						Other information
	length(bp)	/organism <small>?</small> [Edit Column]	/mol_type <small>?</small> [Edit Column]	/strain <small>?</small> [Edit Column]	Location [Edit Column]	/product <small>?</small> [Edit Column]	
ENT01 Edit	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 Edit	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 Edit	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 Edit	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 Edit	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 Edit	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 Edit	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	<1..>585	16S ribosomal RNA	
		Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	<1..>1483	16S ribosomal RNA	
		Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	<1..>585	16S ribosomal RNA	
		Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	<1..>585	16S ribosomal RNA	

Level **Message**

Line: 3 warning The value format of [ab_name] [Kosugi,T.T.T.] is possibly wrong. ?

```
1: COMMONSUBMITTER      contact   Takehide Kosuge
2:      ab_name Kosuge,T.
3:      ab_name Kosugi,T.T.T.
4:      email   tkosuge@nig.ac.jp
5:      phone   81-555-112-1234
```

Next がクリック可能である内容が表示されます。

この例では、submitterの名前に関するwarningが表示されています。

warningがあっても、次のステップに進める場合は、Nextがクリック可能になります。
warningがでて、入力内容に問題がなければNextをクリックします。

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

“Confirm”クリック後： エラーがある場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source ? Select Qualifier					rRNA ? Select Qualifier		Other information
	length(bp)	/organism ? [Edit Column]	/mol_type ? [Edit Column]	/strain ? [Edit Column]	/lat_lon ? [Edit Column]	Location ? [Edit Column]	/product ? [Edit Column]	
ENT01 Edit	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	35.13 N 138.91 R	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 Edit	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	35.13 N 138.91 E	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 Edit	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 Edit	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 Edit	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	35.13 N 138.91 E	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 Edit	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	35.13 N 138.91 E	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 Edit	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 Edit	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	35.13 N 138.91 E	<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 Edit	585	Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 Edit	585	Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	

エラーが表示されます。

エラーで問題がある場合は、Next がクリック可能になりません。

Level **Message**

Line: 23 error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.ddd] N]S d[dd.ddd] W[E]. ?

1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge

Link:
[Entry内にエラーがある場合](#)
[Submitter内にエラーがある場合](#)
[Reference内にエラーがある場合](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

Entry 内にエラーがある場合の修正例

Level	Message
Line: 24	error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.ddd] N S d[dd.ddd] W E]. ?
Line: 29	error Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country]. ?
1:	COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge
2:	ab_name Kosuge,T.
3:	ab_name Kosugi,T.
4:	email tkosuge@nig.ac.jp
5:	phone 81-555-112-1234
6:	fax 81-55-981-6838
7:	institute National Institute of Genetics
8:	department DDBJ center, DDBJ
9:	country Japan
10:	state Shizuoka
11:	city Mishima
12:	street 1111 Yata
13:	zip 305-0856
14:	REFERENCE title New submission tool
15:	ab_name Kosuge,T.
16:	ab_name Mishima,I.
17:	status Unpublished
18:	year 2012
19:	DATE hold_date 20130314
20:	ENT01 source 1..1472 organism Bacillus sp. H
21:	mol_type genomic DNA
22:	strain HM1
23:	country Japan: Shizuoka
24:	lat_lon 35.13 N 138.91 R
25:	rRNA <1..>1472 product 16S ribosomal RNA
26:	ENT02 source 1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27:	mol_type genomic DNA
28:	strain HM2

この例では、エントリー名 ENT01の
lat_lon を修正します

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)
["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)

画面をスクロールアップし、アノテーション入力領域におけるエラー対象セルをダブルクリックして値を修正します。

Submission ID: 5052eae55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source					rRNA		Other information
	length(bp)	/organism	/mol_type	/strain	lon	Location	/product	
ENT01	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	35.13 N 138.91 R	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	35.13 N 138.91 E	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	35.13 N 138.91 E	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	35.13 N 138.91 E	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	35.13 N 138.91 E	<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09	585	Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10	585	Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	

Confirm Next

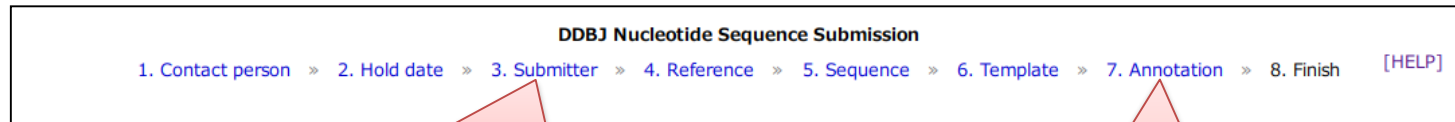
Level

Message

Line: 23 error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier; it must be modified following [d[d.ddd] N]S d[dd.ddd] W[E].

1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge

Submitter内にエラーがある場合



3.Submitterをクリックします
Submitter を修正します。

修正後、"7.Annotation" をク
リックするとアノテーション画面
に戻ります。

画面上部のプログレスバーから"3.Submitter"をクリックする

3.Submitter画面に移動するのでSubmitterを修正後、"Next"をク
リックする

画面上部のプログレスバーから、"7.Annotation" に戻る

Link:

[プログレスバーについて](#)

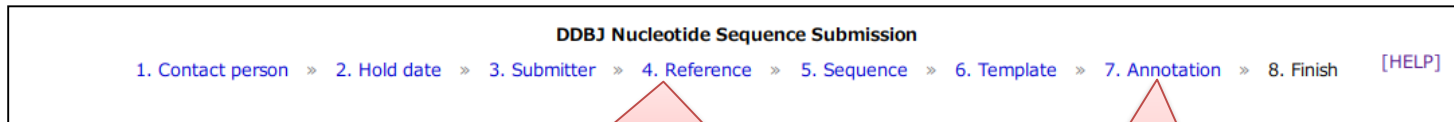
[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)

Reference内にエラーがある場合



4.Referenceをクリックします、
reference を修正します

修正後、"7.Annotation" をク
リックするとアノテーション画面
に戻ります。

画面上部のプログレスバーから"4.Reference"をクリックする

4.Reference画面に移動するのでreferenceを修正後、"Next"をク
リックする

画面上部のプログレスバーから、"7.Annotation" に戻る

Link:

[プログレスバーについて](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)

プログレスバーについて

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish

- ✓ 各ページ名をクリックすることで、前のページに戻って閲覧・修正することが可能です。修正後は、各ページ下部にある"Next"をクリックしてください
- ✓ "5.Sequence"ページで塩基配列を差し替えた場合、入力したアノテーションが消去されます
- ✓ "6.Template"ページでテンプレートを修正した場合、入力したアノテーションが消滅します

Link:

[2.Hold date](#)

[Submitter内にエラーがある場合](#)

[Reference内にエラーがある場合](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)