

寺子屋 『情報生物学』 第1回

集団遺伝学理論を用いたSNPの情報解析入門講座

1.日時：	1999年9月16日（木）午後1時～午後5時
2.場所：	静岡県三島市 文部省国立遺伝学研究所 講堂2階 ※変更になりました(地図)
3.主催：	文部省国立遺伝学研究所 生命情報研究センター・日本DNAデータバンク
4.対象：	大学院生（修士・博士課程），ポストドクなどの若手研究者を主な対象としますが，それ以外の方もおおいに歓迎します（定員150名；参加費無料）。 ※定員になりましたので、申込みは締め切りました。ご了承下さい。
5.趣旨：	ゲノム解析の進展にともない，単一塩基サイト多型 (SNP; Single Nucleotide Polymorphism)データが今後急速に増加することが予想されます。SNPデータの解析には，集団遺伝学の知識が不可欠ですが，このことがより広く認識されてゆく必要性があります。そこで，日本DNAデータバンク (DDBJ; DNA Data Bank of Japan)が設置されている当研究所の生命情報研究センター (CIB; Center for Information Biology)では，同センターとDDBJの活動に関係している教官を中心にした講師陣で，以下の入門講座を開催します。この講座は，今後シリーズで開催してゆく，寺子屋『情報生物学』の第1回にもあたります。SNP解析や集団遺伝学に興味のある多数の方の参加を期待しています。

~~~~~ プログラム ~~~~~

1:00 - 1:15 ★ あいさつ

五條堀 孝（生命情報研究センター・センター長）

1:15 - 2:15 ★ 集団遺伝学とは ～遺伝子頻度，遺伝的浮動，HW平衡，様々な遺伝的変異など～

舘野 義男（生命情報研究センター遺伝子機能研究室・教授；DDBJバンク長）

2:15 - 3:15 ★ 集団遺伝学理論から見たSNP ～DNA多型，塩基置換速度，中立進化と淘汰など～

斎藤 成也（集団遺伝研究系進化遺伝研究部門・助教授；DDBJ担当）

3:15 - 3:30 休憩

3:30 - 4:00 ★ 遺伝子連鎖解析の基礎 ～組換え価，連鎖不平衡，LODスコア，家系分析など～

安田 徳一（財団法人遺伝学普及会情報資源研究センター・部長；DDBJ担当）

4:00 - 4:30 ★ DNAチップテクノロジー入門

池尾 一穂（生命情報研究センター遺伝情報分析研究室・助手；DDBJ担当）

4:30 - 4:45 ★ まとめ

菅原 秀明（生命情報研究センター分子分類研究室・教授；DDBJ担当）

4:45 - 5:00 質疑応答

5:00 - 5:30 個別面談

~~~~~

国立遺伝学研究所までのアクセス：	J R三島駅まで東京から1時間，名古屋から2時間（東海道新幹線のこだまを利用する場合）。三島駅からバス・タクシーで約15分。 http://www.nig.ac.jp/nig.html
参加申し込み：	本研究所生命情報研究センター・寺子屋『情報生物学』係あてに，電子メール(terakoya@ddbj.nig.ac.jp)あるいはFAX (0559-81-6848)で以下の内容をお送り下さい；氏名，所属，連絡先住所，FAX番号，電子メールアドレス。

寺子屋『情報生物学』のWWWホームページ= http://www.cib.nig.ac.jp/terakoya/
国立遺伝学研究所のWWWホームページ= http://www.nig.ac.jp (三島市のホテルリスト= http://www.nig.ac.jp/others/kanko/hotellist.html 宿泊される方はご利用下さい)
C I BのWWWホームページ= http://www.cib.nig.ac.jp
D D B JのWWWホームページ= http://www.ddbj.nig.ac.jp