

SNPを中心とする遺伝子連鎖解析の基礎と応用

日時：3月4日（土）午後2時～午後6時

場所：オリンピック青少年総合記念センター

主催：国立遺伝学研究所 生命情報研究センター

共催：バイオ産業情報化コンソーシアム（JBIC）

定員：250名（定員になりましたので参加受付は締め切りました 2/23）

参加費：無料

プログラム

14:00 - 14:10	あいさつ 五條堀孝（国立遺伝学研究所 生命情報研究センター センター長）
演題と講師（質疑応答を含めて、各1時間）	
14:10 - 15:10	連鎖解析とはなにか 講師：鎌谷直之（東京女子医科大学 膠原病リウマチ痛風センター センター長） 内容：むずかしい連鎖の話をおもしろく理解させてくれる話およびソフトウェアの紹介
15:10 - 15:20	休憩
15:20 - 16:20	連鎖解析に用いるさまざまなモデルの解説 講師：安田徳一（財団法人遺伝学普及会 研究部 部長） 内容：さまざまな連鎖分析理論についての具体例を交えた説明
16:20 - 16:30	休憩
16:30 - 17:30	SNPとマイクロサテライトを組み合わせた連鎖解析の応用例 講師：田宮元（東海大学医学部分子生命科学2 助手） 内容：6番染色体の大規模解析の紹介とSNP解析の問題点
17:30 - 17:40	結び 齋藤成也（国立遺伝学研究所 進化遺伝研究部門 助教授）
17:40 - 18:00	各講師との個別面談

- 会場までのアクセス：[国立オリンピック記念青少年総合センター交通の案内へ](#)
- 参加申込み：寺子屋『情報生物学』係あてに、電子メール(terakoya@ddbj.nig.ac.jp)で以下の内容をお送り下さい。
氏名, 所属, 連絡先住所, 電子メールアドレス

[\[→CIBホームページへ\]](#) | [\[→DDBJホームページへ\]](#) | [\[→過去の寺子屋へ 第1回\]](#)

terakoya@ddbj.nig.ac.jp